

Philipp Franke

Head of Laboratory &
Co-Founder



Philipp Franke ist Wissenschaftler mit Leib und Seele. Er studierte Biosystemtechnik/ Bioinformatik mit den Schwerpunkten Methodenentwicklung, Laborautomatisierung und Nukleinsäure-Sequenzierung an der Technischen Hochschule in Wildau.

Zunächst arbeitete er als Dozent für Zellbiologie und war an verschiedenen Projekten im Zusammenhang mit der hochkomplexen Methode der Sequenzierung beteiligt. Dabei kam er bereits mit der Erforschung des Mikrobioms in Kontakt, wie z.B. im Zusammenhang mit dem Mikrobiom medizinischer Blutegel. Danach wirkte er maßgeblich an der Entwicklung von Standards in der Hochdurchsatzsequenzierung mit sowie an der Entwicklung eines Patents zur Vorbereitung von Nukleinsäuren für die Hochdurchsatzsequenzierung. Nachdem er an mehreren Publikationen mitwirkte, brachte er sich schließlich ab 2017 in die Gründung der BIOMES NGS GmbH ein. Seitdem ist er als Head of Laboratory verantwortlich für das BIOMES-Labor.

Durch seine vielfältigen Erfahrungen im Bereich des Next-Generation-Sequencing trägt Philipp maßgeblich dazu bei, das BIOMES den Goldstandard in der Mikrobiom-Sequenzierung in Europa darstellt.

Berufliche Erfahrung:

2017

Mit-Gründer und Head of Science der BIOMES NGS GmbH

2012 - 2017

Wissenschaftlicher Projektmitarbeiter in der Arbeitsgruppe „Molekulare Biotechnologie und Funktionelle Genomik“, Tätigkeit im Bereich NGS und Standardisierung

2009 - 2011

Tutor für Bioanalytik und Biohybride Technologien

2012

Lehrbeauftragter für das Fach Zellkultur

Wichtige Wissenschaftliche Arbeiten

- Masterarbeit:
 - „Einfluss ausgewählter β -Carboline auf die Expression von Histon-Deacetylasen“
- Artikel:
 - „Qualitätsmanagement in der RT-qPCR“
BIOSpektrum - Februar 2012, Volume 18, Issue 1, pp 42-45
 - „Charakterisierung des mikrobiellen Symbioms von Blutegeln“
Wissenschaftliche Beiträge der TH-Wildau 2013, Januar 2013, pp 8-12
- Wissenschaftliche Beiträge:
 - „Screening and genetic characterization of thermo-tolerant *Synechocystis* sp. PCC6803 strains created by adaptive evolution” BMC Biotechnol. 2014; 14:66;
 - „Standardization and quality management in next-generation sequencing”
Applied & Translational Genomics 2016; 10:2-9
- Reviews:
 - Durchsicht und Kommentierung einer DIN-SPEC für das NGS;
 - Durchsicht und Kommentierung eines ISO-Standards zur qPCR